

COVID-19 – czy zmienił mapę epidemiologiczną zakażeń bakteryjnych oddziałów szpitalnych w Instytucie Gruźlicy i Chorób Płuc?

Petroniec V*, Nowak J., Iwańska A., Augustynowicz-Kopec E.

Zakład Mikrobiologii, Instytut Gruźlicy i Chorób Płuc, Warszawa
mail: v.petroniec@igichp.edu.pl

Rolą laboratorium mikrobiologicznego jest identyfikacja czynnika etiologicznego zakażenia oraz monitorowanie lekooporności drobnoustrojów. Dane te pozwalają na opracowanie „mapy epidemiologicznej”, dzięki której można wyznaczać standardy terapii empirycznej. Celem pracy była analiza porównawcza drobnoustrojów wyhodowanych z materiałów od chorych hospitalizowanych w IGiChP oraz określenie ich lekooporności w latach 2015-2019 i w trakcie trwania pandemii COVID-19 w latach 2020-2021. W okresie 2015-2019 analizie poddano 22534 materiały z oddz. zachowawczych i 14121 z oddz. zabiegowych pochodzące głównie z dróg oddechowych. Na oddz. zachowawczych liczba wyhodowanych szczepów wynosiła 4413 (19,6%), natomiast na oddz. zabiegowych 4648 (32,9%). W latach 2020-2021 w czasie pandemii COVID-19 zarejestrowano mniejszą liczbą hospitalizacji. Efektem tego była zmniejszona o ok. 20% liczba badań mikrobiologicznych na obu typach oddziałów. Jednak na podstawie przeprowadzonej analizy wyników stwierdzono, że pomimo pandemii odsetek izolowanych patogenów był na podobnym poziomie. Na obu typach oddziałów dominującą florę patogenną stanowiły pałeczki *Enterobacterales* (2015-2019-45% ; 2020-2021 42%). Drugim co do częstości izolacji patogenem był *P. aeruginosa* i *Acinetobacter spp.* (2015-2019-31%; 2020-2021 35%). Wśród ziarniaków Gram (+) dominował *S. aureus* (2015-2019-23%; 2020-2021-20%). Wskaźniki te pozostały niezmiennie mimo pandemii SARS CoV-2. Pałeczki Gram (-) ESBL identyfikowano częściej na oddz. zabiegowych (2015-2019 39,1% vs.17,9%; 2020-2021 36,2 vs. 16,9), podobnie jak *K. pneumoniae* MBL (2015-2019 16,2% vs,5,2% 2020 18,8% vs,7,7) i *S. aureus* MRSA (2015-2019 51,2% vs.9.8% 2020 49,3% vs. 8,2%). Przez kolejne lata obserwowano wzrost oporności na kolistynę, głównie u *K. pneumoniae* MBL. Liczba wyizolowanych drobnoustrojów z mechanizmami oporności w latach 2020 - 2021 jest porównywalna do lat ubiegłych pomimo pandemii COVID-19. Nie stwierdzono różnic w odsetkach izolowanych drobnoustrojów oraz ich lekooporności w okresie przed i w czasie pandemii.